

PAN-142

ESTADO ACTUAL DE LA INFECCIÓN NATURAL POR EL VIRUS DEL ENANISMO MOTEADO DE LA BERENJENA (EMDV) EN ESPAÑA

Monge, P.¹, Luis Arteaga, M.¹, Tornos, T.², Escriu, F.¹

¹ Centro de Investigación y Tecnología Agroalimentaria. Avda Montañana 930, 50059 Zaragoza, España.

² Laboratori de Sanitat Vegetal, Generalitat de Catalunya, Ctra de Cabrils Km2 Edificio IRTA, 08348 Cabrils, Barcelona, España.

El virus del enanismo moteado de la berenjena (*Eggplant mottled dwarf virus*, EMDV, *Nucleorhabdovirus*, *Rhabdoviridae*) fue descrito por primera vez en berenjena en Italia, por Martelli y Cirulli en 1969. Desde entonces se ha encontrado en varios países del norte de África, Europa Central y Meridional y Oriente Medio sobre diferentes especies (tomate, tabaco, pimiento, patata, pepino, melón, *Pittosporum tobira*, *Hibiscus rosa-sinensis*, pelargonium, madreselva, alcaparra, *Solanum nigrum* y *S. sodomaeum*). En España el virus se encontró por primera vez en Tenerife sobre *H. rosa-sinensis* en 1981 y más tarde en pepino y berenjena en Barcelona (2005), en *P. tobira* en Valencia y Tarragona (2009) y en berenjena y pimiento en Almería (2011). En 1995 y 1997, en prospecciones realizadas por nuestro grupo en cultivos de pimiento en la provincia de León, se observaron frutos con síntomas virales, áreas decoloradas y deprimidas. La reacción de una gama de huéspedes inoculados con extractos de planta infectada y el análisis por microscopía electrónica indicaron que el agente causal era probablemente EMDV. En 2001 se volvieron a observar síntomas similares en pimiento en Navarra y en la misma localidad de León en el periodo 2002-2005. En 2010 se observaron síntomas de mosaico y deformación intensos en frutos de pepino y tomate en Zaragoza y en 2011 en pimiento, tomate, *Luffa cylindrica* y *Physalis alkekengi* en la provincia de Barcelona. De nuevo, la reacción de huéspedes indicadores inoculados con extractos de planta infectada fue similar a la descrita para EMDV. Las muestras de campo y/o los huéspedes indicadores infectados se analizaron por ELISA-DAS. A partir de extractos de RNA total se obtuvieron fragmentos amplificados por RT-PCR con cebadores específicos de rhabdovirus, que se clonaron y secuenciaron. Tanto el análisis serológico como el molecular confirmaron la infección por EMDV. El análisis BLAST de las secuencias obtenidas mostró un 96 y 98% de identidad con las secuencias de los aislados de EMDV procedentes de *P. tobira* (números de acceso: HM636919 y HM636918) y un 90% con la de un aislado de Grecia (AM922322). El análisis filogenético agrupó todos los aislados españoles, junto con el aislado de Grecia, dentro del grupo de los nucleorhabdovirus de plantas. Los resultados de este trabajo y los datos encontrados en la bibliografía indican un aumento de la frecuencia de infección natural por EMDV en España en un número creciente de huéspedes. Este trabajo es, que sepamos, la primera detección de EMDV en *P. alkekengi* y *L. cylindrica*.