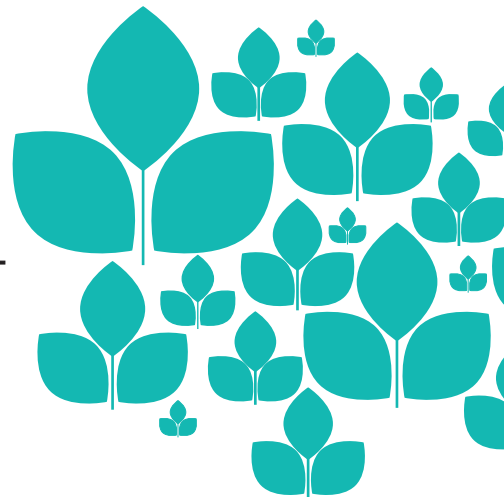




CONGRESO NACIONAL de MEJORA de GENÉTICA de PLANTAS

2022

pontevedra
19 - 22 set | pazo da cultura



Libro de Resúmenes

organizan



colaboran



patrocina



Desarrollo de una genoteca de líneas de introgresión en fondo “Piel de Sapo” a partir de una accesión silvestre para el estudio de la genética de la domesticación del melón.

Manuel Campos¹, Maria José Gonzalo¹, Aurora Díaz¹, Belén Picó², Antonio José Monforte¹, Cristina Esteras²,

¹ Instituto de Biología Molecular y Celular de Plantas (IBMCP, CSIC-UPV), Camino de Vera, s/n 46022 Valencia

³ Instituto de Conservación y Mejora de la Agrodiversidad Valenciana (COMAV-UPV), Universitat Politècnica de València, Camino de Vera, s/n 46022 Valencia

Palabras Clave: *Cucumis melo*, introgresión, morfología

Resumen: el melón actual se domesticó a partir de *Cucumis melo* silvestres que todavía se encuentran en los centros primarios de diversificación de la especie. La entrada Ames 24294 (TRI) corresponde a un melón silvestre, produciendo frutos pequeños (20-50 gr) sin pulpa comestible. Para estudiar las bases genéticas de la domesticación, se ha obtenido una genoteca de líneas de introgresión (ILs), cada una de ellas portando pequeños fragmentos cromosómicos de TRI en el fondo genético “Piel de Sapo” (PS) mediante un programa de retrocruzamiento asistido por marcadores. Actualmente la genoteca consiste de 23 ILs con diferentes introgresiones que presentan el 80% del genoma de TRI, con un tamaño medio de las introgresiones de 14,5 Megabases. Estas ILs han sido evaluadas en diferentes ensayos, en invernadero y campo para estudiar el efecto de los alelos TRI localizados en las regiones genómicas de la introgresión en caracteres de interés. Se ha observado una gran variación en el peso del fruto (500-3.700 gr, siendo el peso de PS entre 1,5-2 Kg), en la forma del fruto (relación longitud/diámetro entre 0,9 y 1,7, siendo PS en torno a 1,3). También se ha observado variación importante en contenido en pulpa, acumulación de azúcares, maduración de frutos, susceptibilidad a azufre, expresión del sexo de la flor. Estos primeros resultados confirman que la genoteca de ILs de TRI es una herramienta muy potente para mapear caracteres de interés agronómico en melón y, específicamente, para entender mejor el proceso de domesticación de este cultivo.