Área temática: Detección y Diagnóstico Póster 207

Detección de *Xylella fastidiosa* en *Philaenus spumarius*

Ana Palacio-Bielsa[1], Isabel Mª Berruete[1], Eva Núñez[1], Mª Milagro Coca-Abia[1], Jaime Cubero[2]
[1]Dpto. Sistemas Agrícolas, Forestales y Medio Ambiente, Centro de Investigación y Tecnología Agroalimentaria de Aragón, Instituto Agroalimentario de Aragón-IA2 (CITA-Universidad de Zaragoza). Zaragoza. *apalaciob@aragon.es
[2]Grupo de Bacteriología del Instituto Nacional de Investigación y Tecnología Agraria y Alimentaria (INIA). Madrid

TIPO DE PRESENTACIÓN: Póster

RESUMEN

Xylella fastidiosa constituye actualmente la principal amenaza para distintos cultivos de gran importancia estratégica, por ello es una bacteria de cuarentena en la UE. Es transmitida de forma persistente por insectos chupadores del xilema de los huéspedes a los que afecta, siendo el hemíptero *Philaenus spumarius* el principal vector del patógeno en Europa.

Los análisis de los vectores permiten detectar *X. fastidiosa* de forma temprana, incluso antes de que las plantas muestren síntomas.

En este trabajo se han comparado diferentes métodos de extracción del ADN utilizando dos parejas de cebadores en las amplificaciones mediante PCR en tiempo real y partiendo tanto de suspensiones en agua de cultivos puros de tres subespecies de *Xylella* (*fastidiosa*, *multiplex* y *pauca*) como de muestras cebadas de *P. spumarius*. Los análisis comparativos mostraron diferencias generales en la sensibilidad obtenida entre las dos parejas de cebadores utilizados, así como algunas diferencias con relación a los métodos utilizados para la extracción del ADN.

Los resultados presentados son parte del proyecto de E-RTA2017-00004-C06-05, cofinanciado por INIA y la Interprofesional del Aceite de Oliva Español.