



XI CONGRESO NACIONAL de MEJORA GENÉTICA de PLANTAS

Complejo Cultural San Francisco
Cáceres 24-26 sep'24

LIBRO DE RESÚMENES

ORGANIZA:

JUNTA DE
EXTREMADURA



Sociedad
Española de
Ciencias
Hortícolas



COLABORA:



AYUNTAMIENTO
cáceres



PATROCINA:



Un cerezo ‘siempre verde’ para mejora e investigación

A. Hedhly^{1,2}, N. Martínez^{1,2}, J. Marin³, A. Arbeloa³, E. García³, A. Wünsch^{1,2*}

¹Centro de Investigación y Tecnología Agroalimentaria de Aragón (CITA), Avda. Montañana 930, 50059 Zaragoza

²Instituto Agroalimentario de Aragón-IA2 (CITA-Universidad de Zaragoza), Zaragoza

³Estación Experimental de Aula Dei, Consejo Superior de Investigaciones Científicas, Avenida Montañana 1005, 50059 Zaragoza

*Autor para correspondencia: awunsch@aragon.es

Palabras clave: *Prunus avium*, evergrowing, crecimiento estacional, dormancia, *DAM*

Resumen

En árboles de hojas caduca se han descrito genotipos singulares que no muestran caída de la hoja en otoño y no entran en dormancia en invierno, que se han denominado “evergreen” (siempre verde) o “evergrowing” (siempre creciendo). En frutales, estos genotipos han sido descritos únicamente en melocotonero y en avellano, y han sido una herramienta de gran utilidad en la investigación y el avance del conocimiento de los procesos que regulan el crecimiento estacional. Entre estos avances está la identificación de los genes *DAM* involucrados en la entrada y salida del reposo. En este trabajo presentamos la caracterización preliminar de un genotipo similar de cerezo, que no entra en reposo y mantiene su crecimiento durante todo el año. Mediante germinación in vitro de embriones procedentes de la autofecundación de una variedad local autocompatible, se han obtenido descendencias con un alto nivel de endogamia entre las que se han identificado varios fenotipos de interés para investigación. Entre ellos destaca este genotipo “siempre verde”, de gran potencial para la investigación y mejora. Se está llevando a cabo la caracterización fenotípica y fisiológica del crecimiento estacional de este fenotipo, así como de los mecanismos moleculares que lo regulan, iniciada con el estudio de la expresión de los genes *DAM*. Se presentan resultados preliminares de esta caracterización y su potencial utilidad como herramienta de investigación y mejora.

Agradecimientos: Este trabajo es parte de los proyectos de I+D+i PID2019-103985RR-I00 financiado por MICIU/AEI/10.13039/501100011033 y PID2022-137105OR-I00, financiado por MICIU/AEI /10.13039/501100011033 y por FEDER, UE, y de la ayuda PREP2022-000496 financiada por MICIU/AEI /10.13039/501100011033 y por el FSE+